

فراوانی ژن‌های بتالاکتاماز طیف گسترده در ایزوله‌های اشریشیاکلی جدا شده از بیماران سرپایی مبتلا به عفونت ادراری در استان گیلان

نور امیرمظفری^{۱*}، زهرا بابائی کسمائی^۲، محدثه محسن پور^۳

۱- استاد، گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد لاهیجان، لاهیجان، ایران.

۲- استاد، گروه میکروبیولوژی، دانشکده پزشکی، گروه میکروپزشکی، دانشگاه علوم پزشکی ایران، تهران، ایران.

۳- دانشجوی دکتری، گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد رشت، رشت، ایران.

۴- مربی، گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد لاهیجان، لاهیجان، ایران.

یافته / دوره نوزدهم / شماره ۵ / زمستان ۹۶ / مسلسل ۷۴

چکیده

دریافت مقاله: ۹۶/۸/۱۳ پذیرش مقاله: ۹۶/۱۰/۱۰

*** مقدمه:** اشریشیاکلی رایج‌ترین عامل عفونت ادراری می‌باشد. مقاومت به سفالوسپورین‌ها به دلیل تولید بتالاکتامازهای طیف گسترده (ESBLs) اخیراً افزایش یافته است. هدف از انجام این مطالعه بررسی فراوانی ژن‌های CTX-M، SHV، TEM، OXA-1، PER-2 و VEB-1 در اشریشیاکلی جدا شده از نمونه‌های ادراری بیماران سرپایی مبتلا به عفونت ادراری در گیلان بود.

*** مواد و روش‌ها:** تعداد ۲۲۶۷ نمونه ادرار در طول شش ماه از آزمایشگاه‌های منتخب گیلان از بیماران سرپایی جمع‌آوری شد. ابتدا با تست‌های بیوشیمیایی و افتراقی مثل MRVP و دکربوکسیلاسیون لیزین در محیط LIA، هیدرولیز اوره و TSI، تولید اوره و سیمون‌سیترات، ایزوله‌های اشریشیاکلی شناسایی شدند. جهت تعیین مقاومت‌دارویی از انتشار دیسک و برای تولید ESBL، از دیسک دوتایی با استفاده از دیسک سفتریاکسون، آموکسی‌کلاو و سفنازیدیم-کلاولونات استفاده شد. بررسی ژن‌های مورد مطالعه در ایزوله‌ها با PCR و پرایمرهای اختصاصی هر ژن انجام گرفت.

*** یافته‌ها:** از ۲۲۶۷ نمونه، تعداد ۱۶۷ ایزوله اشریشیاکلی شناسایی گردیدند. بر اساس روش دیسک دوتایی، ۳۸/۹٪ ESBL مثبت بودند. بررسی مولکولی نمونه‌ها نشان داد که میزان ۷۰/۳۲٪ ژن CTX-M، ۹/۶۴٪ ژن TEM، ۴/۸۸٪ ژن SHV، ۵۷/۰۲٪ ژن OXA-1 و ۱۲/۰۱٪ ژن PER-2 را دارا هستند، اما VEB-1 یافت نشد. تعدادی از ایزوله‌ها نیز دارای چندین ژن مقاومت به‌طور همزمان بودند. از نظر آماری بین جنس و سن با این بیماری و همچنین بین توانایی تولید ESBL و وجود ژن‌های مورد بررسی رابطه مستقیم وجود دارد ($P < 0.05$).

*** بحث و نتیجه‌گیری:** در مطالعه حاضر بیش از نیمی از ایزوله‌های اشریشیاکلی مولد ESBL بودند. با توجه به اینکه عوامل مقاومت روی عناصر ژنتیکی متحرک قرار دارند، شناسایی سریع این سویه‌ها می‌تواند نقش مهمی در جلوگیری از گسترش آن‌ها داشته باشد.

*** واژه‌های کلیدی:** ESBL، اشریشیاکلی، عفونت‌های ادراری.

*آدرس مکاتبه: لاهیجان، دانشگاه آزاد اسلامی واحد لاهیجان، دانشکده علوم، گروه میکروبیولوژی.

پست الکترونیک: amirmozafari@yahoo.com

مقدمه

عفونت ادراری یکی از شایع‌ترین بیماری‌های انسانی می‌باشد که نیاز مبرم به درمان آنتی‌بیوتیکی دارد. بیشترین عامل عفونت دستگاه ادراری، اشریشیاکلی و به مراتب کمتر سایر انتروباکتریاسه‌ها از جمله کلبسیلا می‌باشند. افزایش مقاومت دارویی در عوامل ایجادکننده عفونت ادراری معضل بزرگی است که علت اصلی پیدایش آن، مصرف نامناسب و بی‌رویه آنتی‌بیوتیک‌ها می‌باشد (۱). غالباً جهت کنترل عفونت‌های ادراری، آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتام به کار برده می‌شود که با ظهور فزاینده‌ی آنزیم‌های بتالاکتاماز، کارایی این داروها کاهش یافته است. بتالاکتامازها طبق دسته‌بندی Ambler به چهار دسته مولکولی متمایز از نظر تکاملی A, B, C و D تقسیم‌بندی شده‌اند. در سال ۱۹۹۵ آخرین طبقه‌بندی برای این آنزیم‌ها توسط Bush- Jacoby- Medeiros صورت گرفته است که بر اساس این طبقه‌بندی آنزیم‌های بتالاکتامازی به چهار گروه ۱ تا ۴ و زیرگروه‌های a-f تقسیم‌بندی شده‌اند. انواعی از آنزیم‌های بتالاکتامازی در اشریشیاکلی وجود دارند که تحت عنوان بتالاکتاماز طیف گسترده (ESBL) خوانده می‌شوند. این گروه از بتالاکتامازها توانایی هیدرولیز سفالوسپورین‌های نسل سوم و منوباکتام‌ها را دارند و به طور کلی علت نام‌گذاری‌شان توانایی آن‌ها در هیدرولیز اکثر آنتی‌بیوتیک‌های دارای حلقه‌ی بتالاکتام است. اغلب ارگانیزم‌های حاوی این آنزیم‌ها، نسبت به کاربامپنم حساس باقی مانده‌اند درحالی‌که فعالیت آن‌ها نسبت به سیپروفلوکساسین و سفپیم و مهارکننده‌های بتالاکتاماز متغیر می‌باشد. ژن‌های این آنزیم‌ها اغلب بر روی پلاسمید و گاهی درون کروموزوم قرار گرفته‌اند. اکثر این آنزیم‌ها از مشتقات TEM-1 (یک بتالاکتاماز وابسته به پلاسمید از اشریشیاکلی) و یا SHV-1 (یک بتالاکتاماز کروموزومی از کلبسیلا پنومونیه) می‌باشند. این آنزیم‌ها با مهارکنندگان

بتالاکتاماز مثل اسیدکلولانیک و سالباکتام مهارشده و معمولاً سفاماپسین‌ها (برای مثال سفوتیتان و سفوکسیتین) و یا ایمپنم را هیدرولیز نمی‌کنند (۲). در سال ۱۹۸۳ اولین سویه تولیدکننده آنزیم‌های بتالاکتامازهای طیف گسترده در آلمان جداسازی شد. به دنبال آن گسترش سویه‌های مقاوم در دیگر نقاط جهان دیده شد. در سال‌های اخیر افزایش میزان جداسازی سویه‌های مولد این آنزیم‌ها از نقاط مختلف جهان گزارش شده است (۳). داشتن اطلاعات کافی از فاکتورهای اپیدمیولوژیک ارگانیزم‌های عامل عفونت و الگوی مقاومت آنها جهت بهبود دستورات دارویی مناسب در مراحل خاص ضروری می‌باشد. مشکل عمده در عفونت‌های ناشی از اشریشیاکلی، مقاومت آن نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتام است. همچنین مقاومت نسبت به کاربامپنم‌ها که از مهم‌ترین آنتی‌بیوتیک‌ها می‌باشند روز به روز در حال افزایش است. به عنوان مثال مرکز مدیریت بیماری‌های آمریکا (CDC) اعلام نموده میزان مقاومت ۹٪ در بین نمونه‌های جدا شده در سال ۱۹۹۵، به میزان ۴۰٪ در سال ۲۰۰۴ رسیده که یک افزایش ۳۱ درصدی را نشان می‌دهد (۴-۶). در میان باکتری‌های گرم منفی، طیف وسیعی از مقاومت‌های آنتی‌بیوتیکی وجود دارد. برای نخستین بار این مقاومت که دلیل آن جهش در ژن‌های کروموزومی باکتری‌های اشریشیاکلی، سیتروباکتر فروندی، راشیا مارسنس و سودوموناس آئروژینوزا بود، به صورت بسیار محدود شناسایی و دلیل آن را تولید ژن‌هایی به نام ampC نامیدند. چند سال بعد مقاومت در باکتری‌های کلبسیلا پنومونیه، گونه‌های سالمونلا و پروتئوس میرابیلیس ظاهر شد که ژنی غیر از ampC به نام‌های TEM و SHV که جزء ESBL بودند را تولید نمودند. اعضای خانواده انتروباکتریاسه به طور کلی آنزیم‌های بتالاکتامازی را تولید می‌کنند که شامل TEM-1، TEM-2، SHV-1 و ... می‌باشند. اولین شناسایی این آنزیم‌ها به

نیتروفورانتوئین، آمیکاسین، ایمی‌پنم، جنتامایسین، سفنازیدیم و سفوکسیتین بودند. پس از ۲۴ ساعت، با استفاده از خط‌کش منطقه عدم رشد اطراف هر دیسک مورد اندازه‌گیری قرار گرفته و با جدول استاندارد CLSI مقایسه و تفسیر گردید (۱۰). تولید بتالاکتامازهای طیف گسترده به روش دیسک دوتایی مورد بررسی قرار گرفت. در این آزمایش در محیط مولر هینتون آگار، دیسک آموکسی‌کلاو در فاصله ۳۰ mm از دیسک سفتریاکسون یا سفنازیدیم قرار داده شد و پس از آن در دمای ۳۷°C به مدت ۲۴ ساعت انکوبه شد. افزایش برابر یا بیش از ۵ میلی‌متر در قطر هاله عدم رشد سفتریاکسون یا سفنازیدیم در حضور آموکسی‌کلاو در مقایسه با وضعیت عدم وجود کللولونات، به‌عنوان تأیید فنوتیپی تولید ESBL در نظر گرفته شد (۱۱).

استخراج DNA و انجام PCR

از نمونه‌های ESBL مثبت، استخراج ژنوم با استفاده از کیت DNP™ kit (محصول شرکت سیناژن) انجام گردید. جهت اطمینان از DNA استخراج شده و عدم وجود ممانعت‌کننده‌های PCR، ابتدا PCR اولیه بر روی 16S rDNA باکتری انجام پذیرفت (Universal PCR). از آنجا که خانواده‌های بتالاکتامازی دارای زیرگروه‌های متعددی بوده، بنابراین با استفاده از پرایمرهای اختصاصی هر ژن، PCR بر روی تمامی نمونه‌ها انجام شد. پرایمرهای مورد استفاده در این پژوهش از منابع معتبر انتخاب شده و جهت سنتز به شرکت Metabion سفارش داده شدند (جدول ۱).

جدول ۱. مشخصات پرایمرهای مورد استفاده در PCR

نام پرایمر	توالی نوکلئوتیدی	نام ژن
CTX-M F	5' TTGCGATGTCAGTACCAGTAA 3'	<i>bla CTX-M</i>
CTX-M R	5' CGATATCGTTGGTGGTGGGCATA 3'	
TEM F	5' ATAAAATTCTTGAAGAGGAAA 3'	<i>bla TEM</i>
TEM R	5' GACAGTTACCAATGCTTAATC 3'	
SHV F	5' CGCCGGTTATCTTATTTGTCCG 3'	<i>bla SHV</i>
SHV R	5' TCTTCCGATGCCGCCGCGCAGTCA 3'	
OXA-1 F	5' CACAATACATATCAACTTCGC 3'	<i>bla OXA-1</i>
OXA-1 R	5' AGTGTGTTTAGAATGGTGATC 3'	
PER-2 F	5' ATGAATGTCATCACAAAATG 3'	<i>bla PER-2</i>
PER-2 R	5' TCAATCCGACTCACT 3'	
VEB-1 F	5' CGACTTCCATTTCCCGATAC 3'	<i>bla VEB-1</i>
VEB-1 R	5' GGACTCTGCAACAAATACGC 3'	

طور دقیق در سال ۱۹۸۳ در آلمان انجام شد. هم‌اکنون این ژن‌ها باعث شکست‌های گسترده در درمان‌های آنتی‌بیوتیکی می‌شوند (۹-۷). آنزیم‌های بتالاکتامازی مهم‌ترین عامل مقاومت در برابر آنتی‌بیوتیک‌های خانواده بتالاکتام در میان باکتری‌های گرم منفی می‌باشند و با توجه به شیوع بالای سویه‌های مولد این نوع آنزیم در اشریشیاکلی، در این مطالعه تولید آنزیم‌های بتالاکتاماز طیف گسترده (ESBL) در سویه‌های اشریشیاکلی جدا شده از عفونت ادراری در بیماران سرپایی مبتلا به عفونت ادراری استان گیلان مورد بررسی قرار گرفت.

مواد و روش‌ها

تعداد ۲۲۶۷ نمونه ادراری در طول شش ماه از آزمایشگاه‌های منتخب گیلان از بیماران سرپایی جمع‌آوری شدند. نمونه‌های ادرار بر روی محیط‌های بلاد آگار حاوی ۵٪ خون گوسفندی و مک‌کانکی آگار (ساخت شرکت مرک) به وسیله لوپ استاندارد کشت داده شدند. تعداد ۱۶۷ ایزوله اشریشیاکلی شناسایی شدند که با انجام تست‌های بیوشیمیایی افتراقی همانند تست MRVP، دکربوکسیلاسیون لیزین در محیط LIA، هیدرولیز اوره، TSI، تست اوره‌آز و آزمون سیمون‌سیترات تأیید شدند. حساسیت دارویی بر اساس دستورالعمل CLSI بر روی محیط کشت مولر هینتون آگار در دمای ۳۷°C به مدت ۲۴ ساعت انجام شد. به منظور غربالگری اولیه ایزوله‌های مولد آنزیم بتالاکتاماز، سوسپانسیون میکروبی مطابق با غلظت نیم مک فارلند (سولفات باریم که جذب نوری آن در طول موج ۶۲۵ nm، برابر ۰/۸ تا ۰/۱ باشد) تهیه شده و بر روی محیط مولر هینتون آگار تلقیح گردید. سپس دیسک‌های آنتی‌بیوتیکی Span Lab ساخت کشور آلمان بر روی پلیت‌ها قرار داده شدند. دیسک‌های مورد استفاده شامل آموکسی‌کلاو، تتراسیکلین، سفتریاکسون، سفالوتین، سفیکسیم، نالیدیکسیک اسید، آموکسی‌سیلین، تری‌متوپریم سولفامتو کسازول، سیپروفلوکساسین، سفپیم،

گروه آنزیم‌ها قادر به غیرفعال‌سازی سفالوسپورین‌های نسل سوم و منوباکتام بوده درحالی‌که نسبت به کاربامپنم‌ها حساس باقی می‌مانند (۲).

پژوهشی که در تهران بر روی بیماران سرپایی انجام یافته است، حاکی از وجود ژن‌های مقاومت در ایزوله‌های اشریشیاکلی جدا شده از عفونت‌های ادراری به ترتیب ۵۱/۸٪ ژن CTX-M، ۷/۱٪ ژن TEM، ۳/۶٪ ژن SHV، ۴۲٪ ژن OXA-1، ۸/۹٪ ژن PER-2 بود و VEB-1 یافت نگردید (۲۰). درحالی‌که در مطالعه انجام یافته حاضر در استان گیلان میزان این ژن‌های مقاومت CTX-M، ۷۰/۳۲٪ ژن TEM، ۹/۶۴٪ ژن SHV، ۵۷/۰۲٪ ژن OXA-1، ۱۲/۰۱٪ ژن PER-2 بدست آمد، اما ژن VEB-1 یافت نشد (جدول ۴). تعدادی از ایزوله‌ها نیز دارای چندین ژن مقاومت به صورت همزمان بودند.

در مطالعه حاضر شیوع نسبتاً بالایی از تولید بتالاکتامازهای طیف گسترده و مقاومت دارویی چندگانه در سویه‌های اشریشیاکلی جدا شده از نمونه‌های ادراری مشاهده گردید. با توجه به اینکه گزارش‌های موجود، از نمونه‌های ادراری جمع‌آوری شده بین سال‌های ۲۰۰۷ تا ۲۰۰۹ بدست آمده است و گزارش مستقلی از شیوع این سویه‌ها در بیماران سرپایی در گذشته در دست نیست، تعیین تغییر میزان شیوع این سویه‌ها در کشور به‌طور دقیق امکان‌پذیر نیست و نیاز به مطالعات بیشتر دارد. با توجه به اینکه اکثریت ایزوله‌های مورد مطالعه مقاوم به بتالاکتام‌ها می‌باشند، برای درمان عفونت‌های ناشی از این باکتری استفاده از بتالاکتام‌ها توصیه نمی‌شود. ژن‌های مقاومت بر روی عناصر ژنتیکی قابل انتقال قرار دارند که می‌توانند از یک سویه مقاوم به دیگر سویه‌ها انتقال یابند و مقاومت را منتشر نمایند. لذا مدیریت صحیح مصرف آنتی‌بیوتیک و شناسایی سریع و ردیابی سویه‌های مولد این آنزیم‌ها می‌تواند گامی مهم در درمان عفونت‌های

شیوع سویه‌های ESBL مثبت در ایزوله‌های اشریشیاکلی جدا شده از نمونه‌های ادراری در نقاط مختلف جهان متفاوت بوده است و طبق گزارشی از کشور هند، این میزان ۳۴/۴۲٪ و در عربستان سعودی، ۹/۶٪ بوده است (۱۵-۱۳). در پژوهش دیگری که در نپال و سال ۲۰۱۷ انجام شد، از مجموع ۴۵۱ نمونه عفونت ادراری، ۳۶۵ ایزوله اشریشیاکلی و ۱۷ ایزوله کلبسیلا پنومونیه و ۳ نمونه کلبسیلا اکسیتوکا جداسازی شد که از ۳۶۵ ایزوله اشریشیاکلی با روش دابل دیسک ۳۳ مورد ESBL مثبت بودند (۱۶). در پژوهشی در مالزی در سال ۲۰۱۶، ۱۸/۸٪ ایزوله‌های اشریشیاکلی (۲۸ مورد از ۱۴۹ ایزوله)، از نظر تولید ESBL مثبت بودند که بررسی مولکولی نشان دهنده حضور ژن CTX-M، در بین ۹۰٪ آنها بود، در حالی که SHV و TEM به ترتیب در ۵۶٪ و ۵۲٪ ایزوله‌ها یافت شد و ۲۸٪ از نمونه‌های ESBL مثبت، حاوی هر سه ژن و ۵۰٪ آنها حاوی دو ژن بودند (۱۷). در مطالعات دیگری که در ایران انجام شده است، مقادیر ۴۹٪، ۶۰/۱۶٪ و ۶۷/۲٪ از ایزوله‌های اشریشیاکلی به عنوان تولید کننده ESBL گزارش شده‌اند که این گزارش‌ها مربوط به نمونه‌های بالینی مختلف بوده و نمونه‌های ادرار به تفکیک بیان نشده‌اند (۱۸، ۱۹).

در این مطالعه کمترین میزان مقاومت دارویی سویه‌های ESBL مثبت، به ایمی‌پنم بوده است (۰٪) و پس از آن آمیکاسین و نیتروفورانتوئین قرار دارند (به ترتیب ۱۳/۳٪ و ۲۰٪) که در مقایسه با یک گزارش دیگر در نمونه‌های ادراری در ایران، این مقادیر به ترتیب ۵۴٪ و ۲۰٪ گزارش شده است و مقاومت به ایمی‌پنم بررسی نشده است (۹). مقاومت صد درصدی سویه‌های مورد مطالعه در این پژوهش نسبت به سفالوتین، سفتریاکسون و نالیدیکسیک اسید و حساسیت تمام سویه‌ها به ایمی‌پنم روشن می‌سازد که آنزیم‌های بتالاکتامازی تولیدی توسط این باکتری‌ها از دسته A زیرگروه 2be می‌باشند، زیرا این

ناشی از آن‌ها و در جلوگیری از گسترش آن‌ها باشد. همچنین برای جلوگیری از شکست روند درمان، انجام تست حساسیت آنتی‌بیوتیکی و تولید ESBL برای عفونت‌های ادراری توصیه می‌گردد.

تشکر و قدردانی

از معاونت پژوهشی دانشگاه آزاد اسلامی واحد لاهیجان که بر اساس یک طرح مصوب متقبل هزینه‌های این پژوهش شده‌اند کمال تشکر و قدردانی را داریم.

References

1. Eslami G, Seyedjavadi SS, Goudarzi H, Fallah F, Goudarzi M. Distribution of integrons among multidrug resistant *E. coli* and *Klebsiella* strains isolated from children with urinary tract infection. *Res Med*. 2010; 34(1): 61-65. (In Persian)
2. Mobaiyen H, Nahaei MR, Amirmozafari N, Sadeghie J, Rasuli M. Prevalence and Plasmid Profiles of Extended Spectrum Beta Lactamase producing Enterobacteriaceae in Intensive Care Unit of Children Hospital in Tabriz. *J Univ Med Tabriz*. 2006; 28(2): 95-101. (In Persian)
3. Behrouzi A, Rahbar M, YousefiVand J. The prevalence of Extended-Spectrum β -lactamase (ESBLs) producing *Klebsiella pneumonia* and *Escherichia coli* isolated in Milad hospital of Tehran in 2010. *Iran J Med Microbiol*. 2010; 4(2): 36-41. (In Persian)
4. Garrec H, Drieux-Rouzet L, Golmard JL, Jarlier V, Robert J. Comparison of nine phenotypic methods for detection of extended-spectrum beta-lactamase production by Enterobacteriaceae. *J Clin Microbiol*. 2011; 49(3): 1048-1057.
5. Behrooz A, Rahbar M, YousefiVand J. Frequency of extended spectrum beta-lactamase (ESBLs) producing *Escherichia coli* and *Klebsiella pneumonia* isolated from urine in an Iranian 1000-bed tertiary care hospital. *African J Microbiol Res*. 2010; 4(9): 881-884.
6. Shayanfar N, Rezaei M, Ahmadi M, Ehsanipour F. Evaluation of Extended Spectrum Betalactamase (ESBL) Positive Strains of *Klebsiella pneumonia* and *Escherichia coli* in Bacterial Cultures. *Iranian J Pathology*. 2010; 5(1): 34-39.
7. Nasehi L, Shahcheraghi F, Nematzadeh S. PER, CTX-M, TEM and SHV Beta-lactamases in Clinical Isolates of *Klebsiella pneumoniae* Isolates from Tehran, Iran. *Iranian J Clin Infect Dis*. 2010; 10(13): 111-118.
8. Navon-Venezia S, Chmelnitsky I, Leavitt A, Schwaber MJ, Schwartz D, Carmeli Y. Plasmid-mediated imipenem-hydrolyzing enzyme KPC-2 among multiple carbapenem-resistant *Escherichia coli* clones in Israel. *Antimicrob Agents Chemother*. 2006; 21(50): 3098-3101.
9. Nazik H, Ongen B, Erdon E, Ermis F. High prevalence of CTX-M-type beta-lactamase in *Escherichia coli* isolates producing extended-spectrum beta-lactamase (ESBL) and displaying antibiotic co-resistance. *African J Microbiol Res*. 2011; (5): 44-49.
10. Patel JB, Cockerill FR, Bradford PA, Eliopoulos GM, Hindler JA, Jenkins SG, et al. Methods for Dilution Antimicrobial Susceptibility Tests for Bacteria That Grow Aerobically, vol. 32, NCCLS, 2012. NCCLS approved standard M7-A9.
11. Irajian G, JazayeriMoghadas A. Frequency of extended-spectrum beta lactamase positive and multidrug resistance pattern in Gram-negative urinary isolates, Semnan, Iran. *Jundishapur J Microbiol*. 2010; 3(3): 107-113.
12. Pagain L, Amico E, Migliavacca R, Andrea M, Giacobon E, Amicosante G, et al. Multiple CTX-M type extended-spectrum B-lactamases in nosocomial isolates of

- Enterobacteriaceae from hospital in North Italy. *J Clin Microbiol*. 2003; 41: 4264-4269.
13. Akram M, Shahid M, Khan AU. Etiology and antibiotic resistance patterns of community-acquired urinary tract infections in JNMC Hospital Aligarh, India. *Annals Clin Microbiol Antimicrobials*. 2007; 6: 4-8.
 14. Kader AA, Kumar A. Prevalence and antimicrobial susceptibility of extended-spectrum beta lactamase producing *Escherichia coli* and *Klebsiella pneumoniae* in a general hospital. *Annals Saudi Medicine*. 2005; 25(3): 239-242.
 15. Mehrgan H, Rahbar M. Prevalence of extended-spectrum beta-lactamase-producing *Escherichia coli* in a tertiary care hospital in Tehran, Iran. *Int J Antimicrobial Agents*. 2008; 31(2): 147-151.
 16. Shakya P, Shrestha D, Maharjan E, Sharma V, Paudyal R. ESBL Production Among *E. coli* and *Klebsiella* spp. Causing Urinary Tract Infection: A Hospital Based Study. *Open Microbiol J*. 2017; 11: 23-30.
 17. Mohsen S, Hamzah H, Imad M, Al-Deen M, Baharudin R. Antimicrobial susceptibility of *klebsiella pneumonia* and *Escherichia coli* with extended-spectrum β -lactamase associated genes in hospital Tengku Ampuan Afzan, Kuantan, Pahang. *Malays. J Med Sci*. 2016; 23(2):14-20.
 18. Shahcheraghi F, Nasiri S, Noviri H. Detection of extended-spectrum B-lactamase (ESBLs) in *Escherichia coli*. *Iranian J Clin Infect Dis*. 2009; 4(2): 65-70.
 19. Mirsalehian A, Nakhjavani F, Peymani A, JabalAmeli F, Mirafshar SM, Hamidian M. Frequency of extended spectrum β -Lactamase producing Enterobacteriaceae in intensive care units. *Tehran Univ Med J*. 2008; 65(1): 33-38. (In Persian)
 20. BabaeiKasmaei Z, Amirmozafari N, Frouhesh Tehrani H, Arashkia A, Mahdavi S, Bahrami A. Antimicrobial susceptibility among multi-drug resistant *E. coli* in Iranian outpatients with urinary tract infection in Tehran. *Iran J Med Microbiol*. 2012; 6(9): 37-44. (In Persian)

The Frequency of Beta Lactamase genes in *Escherichia coli* isolates from outpatient suffering from urinary tract infections in Guilan province

Amirmozafari N^{1, 2*}, BabaieKasmaie Z³, Mohsenpour M⁴

1. Professor, Department of Microbiology, Faculty of Basic Science, Lahijan Branch, Islamic Azad University, Lahijan, Iran. amirmozafari@yahoo.com.

2. Professor, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Iran University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

3. PhD Student, Department of Microbiology, Faculty of Basic Science, Rasht Branch, Islamic Azad University, Rasht, Iran.

4. Instructor, Department of Microbiology, Faculty of Basic Science, Lahijan Branch, Islamic Azad University, Lahijan, Iran.

Received: 4 Nov 2017 **Accepted:** 31 Dec 2017

Abstract

Background: *Escherichia coli* is one of the most common causative agent of urinary tract infection. In recent years, resistance to cephalosporins has been considerably on the rise due to production of extended spectrum beta-lactamases (ESBLs). This study was aimed to determine the survey of CTX-M, SHV, TEM, OXA-1, PER-2, and VEB-1 which are the most famous ESBL genes in *E. coli* isolated from outpatients with UTI in Guilan.

Materials and Methods: A total of 2267 urine samples were collected from outpatients suffering from UTIs. After primary biochemical and differential tests like MRVP, Lysin decarboxylation in LIA medium, Urea hydrolysis test, TSI and Simon citrate test, samples containing *E. coli* were identified. Antibiotic susceptibilities were determined by disk diffusion. Double disk tests using Cephtriaxon, Amoxiclave and Cephtazidime-clavolonate were performed for phenotypic ESBL production assay. ESBL-producing genes were evaluated by PCR.

Results: Among the 2267 urine samples, 167 *E. coli* cells were isolated. From these *E. coli* isolates, 38.9% were shown to be ESBL producers by the Double disk method. Based on the molecular analysis, the frequency of ESBL-producing genes were, CTX-M (70.32%), TEM (9.64%), SHV (4.88%) OXA-1 (57.2%), and PER-2 (12.1%). VEB-1 was not detected in the analyzed samples. Also, some of the isolates had more than one ESBL-producing gene. Statistically, there was a direct correlation between gender and age with the infection.

Conclusion: In this study, more than half of the isolated bacteria were ESBL-producers. As the resistance-inducing genes are carried on mobile genetic elements, rapid detection of resistant species is of major importance to prevent their dissemination.

Keywords: ESBL, *E. coli*, UTI.

***Citation:** Amirmozafari N, BabaieKasmaie Z, Mohsenpour M. The Frequency of Beta Lactamase genes in *Escherichia coli* isolates from outpatient suffering from urinary tract infections in Guilan province. *Yafte*. 2018; 19(5): 43-52.